

3.4.5.5 Unterschiede in der Verwirklichung genetischer Information zwischen Pro- und Eukaryoten

Prokaryoten (Bakterien)	Eukaryoten (Pilze, Einzeller, Pflanzen, Tiere)
Transkription	
Unterschiedliche RNA-Polymerasen	
<p>Im Zellplasma ↓ Translation kann sofort beginnen</p>	<p>im Zellkern: <i>prä</i>mRNA</p> <p>Prozessieren:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Capping: 5'-Kappe • Polyadenylierung: 3'-Poly-A-Schwanz • Editing (Veränderung von Basen) • Spleißen: In eukaryotischen Genen tauchen „nicht-codierende“ Abschnitte auf, die sogenannten Introns*. Diese müssen nach der Transkription herausgeschnitten werden <p>mRNA verlässt Kern</p>
Translation	
Start: fMet	Start: Met

* Ein veralteter Begriff für die Struktur eukaryotischer Gene nach dem Muster: **Exon – Intron – Exon – Intron – Exon** – wäre **Mosaikgen**:

